

Образовательная программа направления подготовки 06.03.01 «Биология», профиль Генетика (уровень бакалавриата)

УЧЕБНО-МЕТОДИЧЕСКИЙ КОМПЛЕКС ДИСЦИПЛИНЫ

«БИОИНФОРМАТИКА»

ФОНД ОЦЕНОЧНЫХ СРЕДСТВ

Оценочные средства для проведения аттестации по дисциплине «Биоинформатика» для обучающихся по направлению подготовки «Биология» (профиль Генетика) на 2021-2022 учебный год

Промежуточная аттестация по дисциплине «Биоинформатика» проходит в виде зачета. Зачетное занятие предусматривает:

1 этап – итоговое тестирование;

2 этап - проведение собеседование по контрольным вопросам.

Примеры тестовых заданий

Проверяемые компетенции: ОПК-1, ОПК-2, ОПК-3, ОПК-11, ПК-1, ПК-2, ПК-4, ПК-8

На какой фазе клинических испытаний происходит тестирование лекарства на эффективность приблизительно на 200 больных добровольцах:

- А. первой;
- Б. второй;
- В. третьей.
- 2. Конформация большинства аминокислотных остатков попадают в:
- А. либо в α_R , либо в β -зону;
- Б. левозакрученную спираль αι;
- В. стерически неразрешенные зоны.
- 3. Что определяет конформацию остатка:
- А. углы ф и ψ вращения вокруг связей Na-Ca и Ca-C;
- Б. угол вращения ω вокруг пептидной связи;
- В. углы ϕ и ψ вращения вокруг связей Na-Ca и Ca-C и угол вращения ω вокруг пептидной связи.
- Γ . последовательность углов ω , ϕ и ψ для всех остатков белка.
- 4. Какие методы не используются для аннотирования структуры белка в геноме:
- А. выявление гомологии в последовательностях;
- Б. флюорография;
- В. распознавание фолда.



Образовательная программа направления подготовки 06.03.01 «Биология», профиль Генетика (уровень бакалавриата)

УЧЕБНО-МЕТОДИЧЕСКИЙ КОМПЛЕКС ДИСЦИПЛИНЫ

«БИОИНФОРМАТИКА»

ФОНД ОЦЕНОЧНЫХ СРЕДСТВ

- 5. Специфические последовательности, обеспечивающие образование водородных связей между боковыми цепями и остовом, формируют:
- А. стандартные конформации;
- Б. боковые остатки аминокислот;
- В. спиральные обрамления.

6. Паралоги:

А последовательности, возникшие из одного общего предшественника в результате дупликации одного гена в одном организме;

- Б последовательности, возникшие из одного общего предшественника в процессе видообразования.
- 7. Боковые радикалы 20 аминокислот различаются по:
- А. Размер;
- Б. Электрический заряд;
- В. Полярность;
- Г. Форма и жесткость
- Д. все ответы верны;
- Е. все ответы не верны.
- 8. Что приводит к образованию α-спирали:
- А. чередование остатков в β-конформации;
- Б. стандартные конформации;
- В. чередование остатков в α-конформации.
- 9. Что необходимо для обеспечения термодинамической стабильности:
- А. достаточная доля гидрофобной поверхности должна быть погружена внутрь глобулы, а соответствующие остатки хорошо упакованы;
- Б. чтобы все взаимодействия между остатками в белке были оптимизированы при заданной геометрии расположения основной цепи в пространстве;
- В. чтобы водородные связи между атомами основной цепи стабилизировали структуру белка.
- 10. Что определяет конформацию боковой цепи:
- А. угол вращения ω вокруг пептидной связи;
- Б. последовательность углов ω, φ и ψ для всех остатков белка;
- В. углы ф и ψ вращения вокруг связей Na-Ca и Ca-C

Перечень вопросов для собеседования

№	Вопросы	цля проме	жуточной	атте	стации	Проверяемые компетенции
1.	Способы	записи	данных	o	структуре	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-



Образовательная программа направления подготовки 06.03.01 «Биология», профиль Генетика (уровень бакалавриата)

УЧЕБНО-МЕТОДИЧЕСКИЙ КОМПЛЕКС ДИСЦИПЛИНЫ

«БИОИНФОРМАТИКА»

	I	2 OFFICAL FILE
	макромолекул	3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
2.	Сохранение данных.	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
		3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
3.	Поиск информации в сети Интернет.	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
		3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
4.	База знаний по белкам UniProtKB	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
		3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
5.	Банк данных по нуклеотидным	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
	последовательностям GenBank.	3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
6.	База данных трехмерных структур	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
	биологических макромолекул (белков и	3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
	нуклеиновых кислот) PDB (PDBe).	2, ПК-4, ПК-8
7		
7.	База данных трехмерных структур	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
	биологических макромолекул (белков и	3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
	нуклеиновых кислот) PDB (PDBe).	2, ПК-4, ПК-8
8.	Поиск информации о первичной	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
	аминокислотной последовательности белков, о	3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
	пространственной структуре биомакромолекул	2, ПК-4, ПК-8
	(белки, ДНК, РНК и др.).	
9.	Основные базы данных. Понятие,	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
	классификация	3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
10.	Основные базы данных. Характеристики	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
		3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
11.	Пространственные структуры белков и	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
	принципы структурно-функциональной	3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
	организации биомакромолекул. Группы	2, ПК-4, ПК-8
	белков.	
12		
12.	Парное и множественное выравнивание	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-



Образовательная программа направления подготовки 06.03.01 «Биология», профиль Генетика (уровень бакалавриата)

УЧЕБНО-МЕТОДИЧЕСКИЙ КОМПЛЕКС ДИСЦИПЛИНЫ

«БИОИНФОРМАТИКА»

		3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
13.	Поиск гомологичных структур для заданной	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
	последовательности.	3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
14.	Программа Clustal.	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
		3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
15.	Система BLAST.	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
		3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
16.	Построение филогенетических деревьев.	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
		3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
17.	Анализ филогенетических деревьев.	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
		3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
18.	Анализ пространственных структур белков	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
		3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
19.	Поиск доменов.	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
		3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
20.	Графические средства визуализации	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
	биомакромолекул и их лигандов.	3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
21.	Способы представления структуры	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
	химических соединений.	3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
22.	Методы поиска лекарств in silico.	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
	•	3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
23.	Молекулярно-механическое моделирование.	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
	•	3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
24.	Квантово-химическое моделирование.	ОПК-1, ОПК-
		2, ОПК-3, ОПК-11,
	<u> </u>	, , , , , , , , , , , , , , , , , , , ,



Образовательная программа направления подготовки 06.03.01 «Биология», профиль Генетика (уровень бакалавриата)

УЧЕБНО-МЕТОДИЧЕСКИЙ КОМПЛЕКС ДИСЦИПЛИНЫ

«БИОИНФОРМАТИКА»

		2, ПК-4, ПК-8
25.	Молекулярная динамика.	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
		3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
26.	Докинг.	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
		3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
27.	Моделирование третичной структуры белков	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
	по гомологии.	3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
28.	Моделирование третичной структуры белков	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
	по гомологии.	3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
29.	Программы 3D-визуализации	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
	пространственных структур белков.	3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
30.	Геномные базы данных.	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
		3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
31.	Протеомные базы данных.	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
		3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
32.	Метаболомные базы данных.	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
		3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
33.	Визуализация биологических сетей	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
		3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
34.	Программа Cytoscape.	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
		3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
35.	Методы секвенирования	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
		3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
36.	ПЦР.	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
		3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8



Образовательная программа направления подготовки 06.03.01 «Биология», профиль Генетика (уровень бакалавриата)

УЧЕБНО-МЕТОДИЧЕСКИЙ КОМПЛЕКС ДИСЦИПЛИНЫ

«БИОИНФОРМАТИКА»

37.	Расшифровка результатов.	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
		3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
38.	Генотипирование.	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
		3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
39.	Структура генома.	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
		3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
40.	Типы мутаций.	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
	J ,	3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
41.	Полногеномный анализ ассоциаций (GWAS).	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
		3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
42.	Моногенные заболевания.	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
12.	THORIOT CHIMBIC SUCCESSION.	3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
43.	Однонуклеотидный полиморфизм SNP.	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
13.		3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
44.	Одноаминокислотный полиморфизм SAP.	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
	equicum next in the manuser of the second se	3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
45.	Персонализированная медицина.	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
13.	переопальнованная медицина.	3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
46.	Персональная геномика.	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
70.	персопальная теномика.	3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8
47.	Фармакогеномика. Персонализированный	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
4/.	1 1	3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
	подбор лекарственных препаратов.	2, ΠK-4, ΠK-8
48.	"Отрес" тахналарии в кличиноской прокожи	
40.	"Omics" технологии в клинической практике.	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
		3, OПК-11, ПК-1, ПК-
40	Company homeone warrang	2, ПК-4, ПК-8
49.	Сетевая фармакология.	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-



Образовательная программа направления подготовки 06.03.01 «Биология», профиль Генетика (уровень бакалавриата)

УЧЕБНО-МЕТОДИЧЕСКИЙ КОМПЛЕКС ДИСЦИПЛИНЫ

«БИОИНФОРМАТИКА»

ФОНД ОЦЕНОЧНЫХ СРЕДСТВ

		3, ОПК-11, ПК-1, ПК- 2, ПК-4, ПК-8
50.	Мультитаргетность. Полифункциональность.	ОПК-1, ОПК-2, ОПК-
		3, ОПК-11, ПК-1, ПК-
		2, ПК-4, ПК-8

Обсуждено на заседании кафедры фармакологии и биоинформатики, протокол № 19 от 19 июня 2021 г.

Заведующий кафедрой

A. Mall

А.А. Спасов