Оценочные средства для проведения аттестации по дисциплине «Современные проблемы геномики и протеомики» для обучающихся по образовательной программе бакалавриата по направлению подготовки 06.03.01 Биология, направленность (профиль) Генетика, форма обучения очная на 2023-2024 учебный год

Промежуточная аттестация по дисциплине проводится в форме зачета. Промежуточная аттестация включает следующие типы заданий: собеседование.

Перечень контрольных вопросов для собеседования:

№	Вопросы для промежуточной аттестации	Проверяемые компетенции
1	Основные принципы геномики Роль проекта «Геном человека» в становлении и развитии геномных и протеомных исследований. Развитие геномных и протеомных исследований в	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
2	Волгоградской области. Цели, задачи и основные направления проекта «Геном человека». Особенности организации проекта, его управления и финансирования.	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
3	Вклад русской школы молекулярной биологии в осуществление проекта. Продукт первого этапа реализации проекта «Геном человека».	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
4	Понятие транскрипционной карты. «Черновой вариант» генома человека и его значение для формирования стратегического направления новых биомедицинских исследований.	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
5	Основные тенденции в исследовании генома человека и в районе Волгоградской области.	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
6	Базовые разделы геномики конца 20 века и начала 21 века: структурный, сравнительный и функциональный. Основные задачи «анатомии» генома.	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
7	Доступность для исследований всех генов как первое достижение структурной геномики.	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
8	«Геномизация» жизни человека. Этические, правовые и социальные аспекты генома человека.	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
9	Принципы и перспективы развития сравнительной геномики. Становление	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3

	геномики в Волгоградской области.	
10	Причины формирования новых	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	направлений геномики.	, -, -
11	Определение первичной структуры ДНК.	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	Химический метод. Принцип	, ,
	секвенирования нуклеиновых кислот с	
	помощью метода Максама-Гилберта.	
12	Особенности секвенирования ДНК по	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	Сенгеру. Метод полимеразного	
	копирования. Цепная полимеразная	
	реакция (ПЦР), ее механизм,	
	последовательность событий и	
	прикладное значение.	
13	Анализ больших последовательностей.	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	Секвенирование клеточных геномов.	
14	Технология рекомбинантных ДНК.	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	Ферменты рестрикции и модификации.	
	Векторные системы для клонирования в	
	бактериях.	
15	Общая характеристика векторов, их	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	классификация. Системы клонирования в	
	клетках E.coli. Векторы для клонирования	
	больших фрагментов ДНК.	
16	Выделение и фрагментация ДНК.	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	Подготовка фрагментов ДНК для	
	клонирования.	
17	Технологии объединения фрагментов	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
1.0	ДНК. Синтез олигонуклеотидов и генов.	
18	Проблемы создания геномной	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	библиотеки. Создания геномной	
10	библиотеки в Волгоградской области.	
19	Метод молекулярного клонирования.	OHK-2,OHK-3,OHK-3 HK-3
	Составление и хранение коллекции клонов. Банк кДНК.	
20	Идентификация и клонирование	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
20	специфических генов. Скрининг банка	OHK-2,OHK-3,OHK-3 HK-3
	генов.	
21	Метод гибридизации колоний. Сиквенс-	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
21	специфический скрининг.	01m 2,01m 3,01m 3 1m-3
	Иммунологический скрининг.	
22	Получение экспрессионной библиотеки.	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	Функциональный скрининг.	- , - , - ,
	Рекомбинатный метод.	
23	Функциональная характеристика	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	клонированных генов. Выбор подходов к	-, -,
	всестороннему исследованию функции	
	генов.	
24	Анализ экспессии гена. Нозерн-блот	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	гибридизация и гибридизация <i>in situ</i> .	
25	Анализ локализации белка. Значение	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
25	Анализ локализации белка. Значение иммунохимического анализа <i>in situ</i> и	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
25	Анализ локализации белка. Значение	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3

26	Анализ белковых взаимодействий.	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
20	Анализ белковых взаимодействий. Изменение активности гена или	OHK-2,OHK-3,OHK-3 HK-3
27	активности продукта. Методы исследования потери функции	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
21	гена (случайный мутагенез, подавление	OHK-2,011K-3,011K-3
	генной экспрессии с использованием	
	антисмысловой РНК, рибозимов, РНК-	
	интерференции, подавление активности	
	белка с помощью антител).	
28	Исследование приобретения функции	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
20	генов по данным суперэкспрессии/	511K 2,511K 3,511K 3 11K 3
	эктопической экспрессии.	
29	Новые достижения: проект «Геном	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	человека». Что такое геномика?	511K 2,511K 3,511K 3 11K 3
	Становление геномики в Волгоградской	
	области. Геномы модельных организмов	
	как первоначальные задачи проекта	
	«Геном человека».	
30	Этические, юридические и социальные	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	аспекты (ELSI) проекта «Геном	
	человека».	
31	Революция в генетическом картировании.	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	Вариации в геноме человека. Революция в	
	физическом картировании. Опорная ВТБ-	
	карта генома человека.	
32	Стратегия секвенирования. «Черновые»	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	варианты и окончательные	
	последовательности. Аннотирование	
	генома.	
33	Перспективы функциональной геномики.	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	Сравнение последовательностей.	
	Сравнительная геномика. Использование	
	сравнительной геномики в	
2.4	Волгоградской области.	
34	Стандартизованная структурная и	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
25	функциональная классификация белков.	
35	Транскриптомика. Глобальный анализ	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	мРНК. Производство точечных и	
36	олигонуклеотидных микрочипов.	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
30	Микроорганизмы, вызывающие заболевания. Идентификация	OHK-2,OHK-3,OHK-3 HK-3
	возбудителей болезни. Средства	
	биологической войны.	
37	Типированне патогенов в судебной	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	медицине. Молекулярная эпидемиология.	01IK-2,01IK-3,01IK-3 1IK-3
	Устойчивость организма-хозяина к	
	инфекции.	
38	Понятие бактериальной патогенности.	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	Островки патогенности. Сравнительная	5111 2,0111 5,0111 5 111 5
	геномика и пластичность генома.	
	Геномные вариации штаммов	
	туберкулезной вакцины.	
	1 / 1 /	

39	Происхождение метициллин-устойчивого	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	штамма Staphylococcus aureus и эпидемия	3,011K 3,011K 3 11K 3
	синдрома токсического шока.	
40	Борьба с инфекционными заболеваниями.	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	Новые подходы к вакцинированию.	, -, -
	Геномика и разработка новых	
	антибактериальных препаратов. Борьба с	
	грибковыми инфекциями.	
41	Успехи в лечении протозойных	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	инфекций. Жизненный цикл малярийного	
	паразита. Разработка противовирусных	
	препаратов. Высокоактивная	
	антивирусная терапия (ВААВТ, или	
	англ.НАААТ) при лечении СПИДа.	
42	Типы генетических заболеваний.	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	Диагностика моногенных болезней.	
	Лечение моногенных болезней.	
	Рибозимы. Поиск генов, ответственных за	
	моногеиные болезни, и выявление их	
	функций.	
43	Позиционное клонирование. Метод генов-	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	кандидатов. Последовательность генома	
	мыши и ее значимость дня изучения	
	болезней человека. Анализ полигенных	
	болезней.	
44	Безмодельный (непараметрический)	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	анализ сцеплений. Картирование	
	неравиовесных сцеплений. Гаплотипы.	
	Главный комплекс гистосовместимости. Индивидуальные реакции на лекарства	
	(фармакогеномика). Социальные и этические проблемы.	
45	Молекулярные основы онкологических	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
73	заболеваний. Рак как эволюционный	OHK-2,01HC-3,01HC-3 1HC-3
	процесс. Молекулярный контроль	
	клеточной пролиферации.	
46	Роль геномики в изучении	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	онкологических заболеваний. Новые	
	методы диагностики рака. Новые подходы	
	к лечению онкологических заболеваний в	
	Волгоградской области. Радиотерапия.	
	Химиотерапия.	
47	Биотерапия. Становление биотерапии в	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	Волгоградской области. Новые	
	терапевтические мишени.	
48	Названия моноклональных антител.	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	Производство моноклональных антител.	
	Человеческие антитела, полученные с	
	помощью фагового дисплея.	
	Радиоиммунотералия и диагностическая	
	визуализация. Другие модифицированные	
	антитела.	

40	I.C	
49	Крупномасштабное культивирование	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	микроорганизмов. Крупномасштабное	
	культивирование животных клеток.	
	Иммортализованные клетки в	
	генетических исследованиях.	
50	Экспрессмонные системы.	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	Производственные процессы.	
	Генетические манипуляции для	
	облегчения процедур очистки	
	биофармацевтических препаратов.	
	Качество биофармацевтических	
<u></u>	препаратов.	
51	Использование лектимовых микрочипов	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	для анализа гликозилирования	
	биофармацевтических препаратов.	
	Международный стандарт качества СМР.	
	Термины, используемые при	
	производстве биофармацевтических	
	препаратов. Альтернативные системы	
50	производства.	
52	Геномика и создание новых	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	лекарственных препаратов. Методика	
	разработки лекарства.	
	Высокоэффективный скрининг.	
	Сцинтилляционный анализ близкого	
52	расстояния.	
53	Подтверждение действенности препарата	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	и животные модели. Примеры	
	лекарственных мишеней,	
	подтвержденных в нокаутных мышиных	
54	Моделях.	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
24	Комбинаторная химия. Динамические комбинаторные библиотеки.	OHK-2,OHK-3,OHK-3 HK-3
	Виртуальный скршнинг Комбинаторный	
	биосинтез и химический биосинтез.	
	Метаболизм лекарств.	
55	Токсикогеномика. Становление	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	токсигеномики в Волгоградской области.	2,0111 3,0111 3 111 3
	Этические аспекты применения генной	
	терапии. Генная терапия. Пути доставки	
	генов. Механизмы доставки генов.	
	Свойства вирусных векторов для	
	доставки генов.	
56	Примеры лечения заболеваний. Лекарства	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	на основе нуклеиновых кислот.	, , , ,
	Антисмысловые препараты. Лекарства на	
	основе рибозимов.	
57	Возможности малых интерферирующих	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	РНК. Алтамеры. Генная терапия	, , ,
	инфекционных заболеваний: ВИЧ. ДНК-	
	вакцины Модели болезней.	
58	Модели моногеиных болезней. Перенос	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	1	<u> </u>

		1
	генов мышам. Модели комплексных	
	болезней. Клеточная терапия. Стволовые	
	клетки.	
59	Понятие протеомики и протеомного	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	анализа. Становление геномики и	
	протеомики в Волгоградской области.	
	Геномика и протеомика: структурно-	
	функциональная взаимосвязь. Положение	
	протеомики в системе биологических	
	<u> </u>	
	наук. Связь протеомики с молекулярной	
	биологией, биохимией, биофизикой,	
	цитологией, генетикой, микробиологией,	
	вирусологией.	
60	Фундаментальные и прикладные цели	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	протеомики. Задачи протеомного анализа:	
	геноцентричная инвентаризация	
	протеомов, исследование молекулярных	
	механизмов функционирования живых	
	систем, задачи молекулярной медицины -	
	создание биомаркеров и протеомного	
	штрих кода.	
61	Предпосылки возникновения и	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	исторические аспекты развития геномных	
	и протеомных исследований. Этапы	
	становления молекулярно-генетического	
	анализа в 20 и 21 вв. Становление	
	молекулярно-генетического анализа в Волгоградской области.	
62	•	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
02	Последовательность формирования	O11K-2,O11K-3,O11K-3 11K-3
	основных разделов фундаментальной	
	молекулярной биологии, молекулярной	
	биомедицины и биотехнологии.	
63	Междисциплинарная основа развития	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	геномных и протеомных исследований, а	
	также биоинформационных технологий в	
	том числе на территории Волгоградской	
	области.	
64	Использование достижений	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	молекулярной биологии в медицине. Роль	
	молекулярно-биологических протеомных	
	исследований в развитии молекулярной	
	биотехнологии, генодиагносгики,	
	генотерапии и геномной дактилоскопии, а	
	также в изучении молекулярных основ	
	эволюции, дифференцировки,	
	биоразнообразия, развития и старения	
	живых систем.	
65	Метаболомика: определение, цели,	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	достижения и проблемы. Становление	5111 2,5111 3,5111 3 111 3
	метаболомики в Волгоградской области.	
	±	
	Теоретические исследования	
	закономерностей метаболизма. Понятие	

		Г
	метаболических карт, метаболических	
	потоков, сетей метаболических потоков.	
66	Базы данных по метаболической	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	систематике. Понятие транскриптомики:	
	объекты, методология и основные	
	разделы. Развитие транскриптоники в	
	Волгоградской области.	
	Фундаментальные и прикладные цели и	
	задачи транскриптомикн.	
67	Прикладное значение достижений	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	транскриптомики для развития	
	биоаналитических технологий в	
	биомедицине и фармакологии.	
	Молекулярные подходы геномной	
	дактилоскопии и фармакогеномики.	
68	Становление постгеномного периода	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	развития молекулярной биомедицины и	
	биотехнологии. Перспективы и проблемы	
	функциональной геномики.	
	Стратегические задачи исследования	
	программы «Функциональная геномика».	
69	Ключевые понятия, принципы и	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	направления протеомного анализа.	
	Геномная и протеомная краты человека.	
	«Узкое» и «широкое» определение	
	протеомики.	
70	Общая характеристика основных	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
, ,	направлений протеомных исследований.	2,01111 0,01111 0 1111 0
	Химическая протеомика. Биохимический	
	анализ протеомов различных геномов.	
	Количественная протеомнка как основа	
	системной структурной биологии.	
71	Функциональная клеточно-картируемая	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
, 1	или протеомика взаимодействий.	ome 2, ome 3, ome 5 me 5
	Структурная (экспрессионная)	
	протеомика и её роль в формировании	
	стратегических задач метаболомики.	
	Протеомиая биоинформатика.	
	Становление протеомной	
	биоинформатики в Волгоградской	
	области. Промышленная и	
	сельскохозяйственная протеомика.	
	Медицинская (клиническая) протеомика и	
	её основные разделы. Современные	
	технологические платформы для	
	геномных и протеомных исследований.	
72		ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
12	Протеомика - современная «Химия белка». Технология мультикомплексного	OHK-2,OHK-3,OHK-3 HK-3
	•	
	анализа белков с использованием	
	массспектрометрии (МС). Исторические	
	аспекты и этапы развития методов	
1	исследования пептидов и протеинов.	

	Методология ранних исследований, проводившихся до раскрытия природы	
	белка.	
73	Этап, связанный с развитием фракционирования. Период формирования энзимных методов исследования. Этап становления протеомнюго анализа (сепарационные	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	технологии).	
74	Предиктивная протеомика - период, связанный с развитием геномики. Современный дизайн протеомного исследования. Выбор методов пробоподготовки (получение биологического образца и его подготовка к исследованию).	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
75	Методы количественного и качественного анализа исследуемого белка. Уточнение первичной структуры белка и определение посттрансляционных модификаци (ПТМ).	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
76	Основные методы фракционирования белков в протеомике. Общие нехроматографические методы разделения белков: проточная цитометрия, субклеточнсе фракционирование, преципитация, аналитический двумерный электрофорез (2DPAGE).	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
77	Хроматографические методы фракционирования протеомов: размерно-эксклюзионная, ионообменная (ИОХ), обращено-фазовая и гидрофобные хроматоргафии. Аффинные неспецифические (первичные амины, цистеины, гистидины) и прицельные (химические, ферментные, лигандные) методы исследования.	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
78	Принцип фракционирования 2DPAGE. Матрицы для разделения белков и пептидов. Анализ протеомной карты. Качественный и количественный виды протеомного анализа в методе 2DPAGE. Недостатки и ограничения 2DPAGE в протеомных исследованиях.	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
79	Преимущества дифференциального гель- электрофореза (DIGE) в идентификации белков.	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
80	Роль высокоэффективной жидкостной хроматоргафии (ВЭЖХ) в протеомных исследованиях.	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
81	Классификация хроматографических	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3

	систем в соответствии с состоянием	
	элюента (жидкостная и высокоскоростная	
	ВЭЖХ). Виды (жидкостно-	
	адсорбционная, ИОХ и	
	распределительная) и разновидности	
	(обращено-фазовая, нормально-фазовая,	
	экеклюзионггая, тль-фмьтрационная и	
	др.) жидкостной хроматогафии.	
82	Основные типы жидкостных	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	хроматографов. Способы детекции	
	анализируемых веществ при ВЭЖХ.	
	Комбинаци и хроматографических	
	методов для разделения сложных	
	белковых и пептидных смесей.	
83	Понятие автоматизированных рабочих	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
0.5	систем (2D-LC-MS) для количественного	OHK-2,0HK-3,0HK-3 HK-3
	протеомного анализа на основе	
	совмещения возможностей 2DPAGE,	
	сепарационной технологии ВЭЖХ и	
	тацдемно соединенного МС-детектора.	
	Принципиальная схема 2D-LC-MS.	
	Практическое значение 2D-LC-MS-	
	технологий для протеомных	
	исследований в биомедицине.	
84	Определение метаболического профиля	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	биологических жидкостей (кровь, моча,	
	ликвор и др.) и метаболических патгернов	
	пациентов. Получение сравнительного	
	протеомного профиля.	
85	История развития МС-метода. Развитие	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	МС-метода исследования в	
	Волгоградской области. Физико-	
	химические основы и характеристики	
	МС-анализа. Понятие МС-масс-	
	спектрограммы. Процессы, составляющие	
	МС: ногшзация, разделение ионов по	
	массам и регистрация ионов. Ионизация,	
	транспорт и детекция ионов. Принцип	
	метода ионизации FAB.	
86	Современные методы ионизации образца	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	(электронный удар, химическая (АРСІ) и	, -,
	фотохимическая (АРРІ) ионизация,	
	бомбардировка быстрыми атомами,	
	ионизация электрораслылением (ESI),	
	лазернодесорбционная ионизация в	
	матрице (MALDI).	
87	-: -	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
07	J 1	OHK-2,OHK-3,OHK-3 HK-3
	электростатические линзы,	
	четырехполюсные (квадроупольные) или	
	восьмиполюсные (октапольные)	
	проводники. Принципиальная схема масс-	
	спектрометра.	

88	Принцип действия и типы МС. Секторные	ОПК-2 ОПК-3 ОПК-5 ПК-3
	магнитные и/или электрические МС.	511K 2,011K 3,011K 3 11K 3
	Квадроупольные МС (QQQ).	
	Преимущества времяпролетных МС	
	(ТОГ). МС с ионной ловушкой и	
	специфика их применения (ІОХТгар).	
89	Ионн-циклотрон-резонансный МС с	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	преобразованием Фурье. Сочетание МС с	2,01111 0,01111 0 1111 0
	хроматографическими методами	
	(хромато-МС). Преимущества, недостатки	
	и перспективы SELDI-TOF технологии.	
	Российские и зарубежные	
	технологические платформы протеомных	
	исследований.	
90	Взаимосвязи в развитии	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	высокотехнологичных методологий	,
	протеомного анализа м	
	биоинформацнонных баз данных.	
	Фингерпринтинг масс пептидов.	
91	Достижения экепрессионной протеомики.	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	Анализ закономерностей реализации	
	генетической информации на уровне	
	макромолекулярных сетей. Создание	
	моделей клеточной регуляции и	
	метаболических механизмов.	
92	Применение количественной протеомики	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	в системной биологии, а также в	
	лабораторных исследованиях	
	Волгоградской области. Анализ	
	изменений в белковом множестве. Оценка	
	разницы между уровнями мРНК и белка в	
	крупномасштабном анализе клеточных	
0.2	регуляторных механизмов.	
93	Создание экспрессионных профилей для	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	каждой мРНК. Исследование белок-	
	белковых и белок-пептидных	
	взаимодействий методами тандемиой МС.	
	Создание микрочипа для анализа белок-белковых и белок-пептидных	
	взаимодействий.	
94	Дрожжевая двух гибридная система.	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
/-	Получение корреляционного профиля	5111C 2,0111C 3,0111C 3 111C-3
	центросомальных белков. Определение	
	роли ПТМ в белок-белковых	
	взаимодействиях. Протеомика органелл.	
95	Идентификация и характеристика	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	белкового состава органелл методом МС-	, , ,
	анализа. Идентификация эндогенных	
	ядерных белков в матриксе и строме	
	митохондрий и хлоропластов,	
	соответственно.	
96	Определение ядерных ингибиторов	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3

	транскрипции в структуре органелл.	
	Профили корреляции белков органелл.	
	Количественная фосфопротеомика.	
	Изучение временной динамики развития	
	сигнала тирозинкиназы в клетках HeLa.	
97	Временные профили фосфорилирования	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	по тирозину, при изменениях	
	индуцированных инсулином в	
	адипоцитах.	
98	Протеомные исследования в	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	молекулярной кардиологии.	, -, -
	Генотитирование факторов риска	
	сердечно-сосудистых заболеваний	
	методом MC MALDI-TOE.	
99	Стратегия открытия биомаркеров:	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	обнаружение и очистка (биомаркер-	OHK-2,011K-3,011K-3 HK-3
	` 1 1	
	кандидат, простая детекция мутен	
	MALDI-TOP; характеристика (карта	
	расщемения, поиск в	
	биоинформационных базах данных,	
	определение ПТМ, простая тандемная	
	детекция путем MALDI-TOP);	
	подтверждение (анализ ProteinChip,	
	простая детекция путем MALDI-TOF).	
100	Кардиомаркеры возникновения и	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	развития универсальных сердечно-	
	сосудистых патологий (атеросклероз,	
	ишемия, инфаркт миокарда, гипер- и	
	гипокаогуляция). Миокардиальная	
	ишемия: новые диагностические и	
	терапевтические стратегии.	
101	Биоаиалитические методы исследования	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	артериальной гипертензии. Современные	
	диагностические возможности в	
	молекулярной аритмологии. Протеомные	
	исследования в изучении апоптоза и	
	онкопатологии. Идентификация апоптоз-	
	ассоциированных патгернов. Белковые	
	маркеры апоптоза, выявляемые в	
	протеомных исследованиях.	
102	Причины необходимости введения	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
102	протеомного анализа в дополнение к	0111x-2,0111x-3,0111x-3
	_	
	геномному анализу апоптотических	
102	процессов в клетках организма человека.	
103	Роль онкопротеомики и онкогеномикн в	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	ранней диагностике неопластическик	
	процессов. Белковые маркеры	
	злокачественных опухолей, применяемые	
	в клинической практике.	
104	Понятие диагностических белковых	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	профилей и протеомного «штрих-кода».	
	Разработка протеомной диагностики	

	опухолей. Клиническая база. Выбор групп	
	субъектов: злокачественная опухоль	
	(ранние стадии), доброкачественная	
	опухоль, норма.	
105	Стратегия протеомного анализа по поиску	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	онкомаркеров: разделение белков	
	протеома (электрофорез, хроматография);	
	мониторинг посредством МС;	
	идентификация конкретных маркеров или	
	формирование диагностического	
	профиля.	
106	Получение SELD1-профилей плазмы для	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	выборки норма/патология.	
	Идентификация конкретных белков.	
	Статистическая модель для ранней	
	молекулярной диагностики.	
107	Статистические методы протеомных карт	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	больных и здоровых людей. Понятие	
	алгоритма биоинформационного анализа	
	идентифицированных спектров	
	протеомных папернов в онкологии.	
	Белковые чины с детекцией SELD1-MC.	
100	Основы фармакопротеомики.	
108	Технология «лаборатория на чине» и МС-	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	сканеры. Применение биочипов в	
	биомедицинских и фармакологических	
	исследованиях. Олигонуклеотидны е,	
100	ДНК-овые и белковые биочипы.	
109	Гелевые биоиипы: их свойства,	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	производство и аналитические	
	характеристики. Бночипы на основе	
	ферментов. Междисциминарный подход в	
	использовании инновационных геномных	
110	и протеомных исследований.	
110	Взаимосвязь основных стратегических	ОПК-2,ОПК-3,ОПК-5 ПК-3
	целей исследования генома, протеома и	
	биоинформатики: построение алгоритмов, методов анализа и баз данных.	
	методов анализа и оаз данных.	

В полном объеме фонд оценочных средств по дисциплине доступен в ЭИОС ВолгГМУ по ссылке:

https://elearning.volgmed.ru/course/view.php?id=1101

Рассмотрено на заседании кафедры молекулярной биологии и генетики «06» июня 2023 г., протокол № 10 а

Заведующий кафедрой



А.В.Топорков